

Karta przedmiotu

Nazwa i kod przedmiotu	Metody numeryczne dla bioinformatyków, PG_00156237						
Kierunek studiów	Bioinformatyka (O)						
Data rozpoczęcia studiów	październik 2024 r.		Rok akademicki realizacji przedmiotu		2025/2026		
Poziom kształcenia	I stopnia - licencjackie		Grupa zajęć		Grupa zajęć obowiązkowych z zakresu kierunku studiów		
Forma studiów	stacjonarne		Sposób realizacji		na uczelni		
Rok studiów	2		Język wykładowy		polski		
Semestr studiów	3		Liczba punktów ECTS		6.0		
Profil kształcenia	ogólnoakademicki		Forma zaliczenia		zaliczenie		
Jednostka prowadząca	Rektor -> Wydział Matematyki, Fizyki i Informatyki -> Instytut Fizyki Teoretycznej i Astrofizyki						
Imię i nazwisko wykładowcy (wykładowców)	Odpowiedzialny za przedmiot		dr hab. inż. Marek Krośnicki				
	Prowadzący zajęcia z przedmiotu						
Formy zajęć	Forma zajęć	Wykład	Ćwiczenia	Laboratorium	Projekt	Seminarium	RAZEM
	Liczba godzin zajęć	15.0	0.0	45.0	0.0	0.0	60
	W tym liczba godzin zajęć na odległość: 0.0						
Aktywność studenta i liczba godzin pracy	Aktywność studenta	Udział w zajęciach dydaktycznych, objętych planem studiów		Udział w konsultacjach		Praca własna studenta	RAZEM
	Liczba godzin pracy studenta	60		0.0		90.0	150
Cel przedmiotu	1. Opanowanie podstawowych algorytmów numerycznych i metodologii prowadzenia obliczeń komputerowych z szczególnym naciskiem na zastosowania w naukach biologicznych. 2. Opanowanie implementacji algorytmów numerycznych 3. Opanowanie krytycznej analizy rezultatów rachunków numerycznych 4. Zapoznanie i wdrożenie studentów do pracy z bibliotekami numerycznymi Numpy i Scipy						

Efekty uczenia się przedmiotu	Efekt kierunkowy	Efekt z przedmiotu	Sposób weryfikacji i oceny efektu
	[BIOINL3_U04] Efektywnie planuje i organizuje pracę samodzielną lub w ramach zespołu	Potrafi napisać w języku Python program służący do modelowania procesów z obszaru zainteresowań biologii matematycznej Student potrafi sporządzić i zaprezentować raport z wykonanych symulacji numerycznych Student umie pracować w grupie	[SU1] wypowiedź ustna/rozmowa/ dyskusja [SU2] prezentacja/projekt/referat/ raport [SU5] realizacja zadania problemowego
	[BIOINL3_W03] Ma wiedzę z zakresu metod matematycznych i statystycznych pozwalającą na opis i modelowanie procesów i zjawisk biologicznych	Opanowanie podstawowych algorytmów numerycznych i metodologii prowadzenia obliczeń komputerowych z szczególnym naciskiem na zastosowania w naukach biologicznych. Opanowanie implementacji algorytmów numerycznych Opanowanie krytycznej analizy rezultatów rachunków numerycznych Zapoznanie i wdrożenie studentów do pracy z bibliotekami numerycznymi Numpy i Scipy	[SW3] opracowanie tekstowe/ praca pisemna
	[BIOINL3_U03] Stosuje podstawowe metody matematyczne i statystyczne do opisu zjawisk i analizy danych; posiada umiejętność podstawowej analizy danych w profesjonalnych bazach danych wykorzystywanych w bioinformatyce	Potrafi napisać w języku Python program służący do modelowania procesów z obszaru zainteresowań biologii matematycznej Student potrafi sporządzić i zaprezentować raport z wykonanych symulacji numerycznych Student umie pracować w grupie	[SU1] wypowiedź ustna/rozmowa/ dyskusja [SU3] opracowanie tekstowe/ praca pisemna [SU5] realizacja zadania problemowego
Treści przedmiotu	Błędy zaokrągleń oraz arytmetyka zmiennoprzecinkowa - Propagacja błędów - Interpolacja wielomianowa, metoda krzywych giętych. - Aproksymacja funkcji jednej zmiennej. - Numeryczne rozwiązywanie równań nieliniowych (metoda Newtona, metoda Bisekcji, metoda punktu stałego) - Całkowanie numeryczne. - Metody przybliżone rozwiązywania równań różniczkowych zwyczajnych - Zastosowania pakietów Numpy i Scipy		
Wymagania wstępne i dodatkowe	Zaliczenie wstępu do informatyki		
Sposoby i kryteria oceniania osiągniętych efektów uczenia się	Sposób oceniania (składowe)	Próg zaliczeniowy	Składowa ocena końcowej
	wykonanie i oddanie projektów z symulacjami numerycznymi	51.0%	80.0%
	sprawdzian/test	51.0%	20.0%

Zalecana lista lektur	Podstawowa lista lektur	A. Literatura wymagana do ostatecznego zaliczenia zajęć (zdania egzaminu): A.1. wykorzystywana podczas zajęć J. Stoer, R. Bulirsch, Introduction to Numerical Analysis, Springer-Verlag, New York 2002. Nicholas Britton,, Essential Mathematical Biology, Springer, 2003
	Uzupełniająca lista lektur	n
	Adresy eZasobów	Adresy na platformie eNauczanie:
Przykładowe zagadnienia/ przykładowe pytania/ realizowane zadania	n	
Praktyki zawodowe w ramach przedmiotu	Nie dotyczy	

Dokument wygenerowany elektronicznie. Nie wymaga pieczęci ani podpisu.