

Karta przedmiotu

Nazwa i kod przedmiotu	Współczesne metody badawcze w taksonomii zwierząt (Wykład), PG_00207471						
Kierunek studiów	Biologia (O)						
Data rozpoczęcia studiów	październik 2026 r.	Rok akademicki realizacji przedmiotu			2028/2029		
Poziom kształcenia	I stopnia - licencjackie	Grupa zajęć			Grupa zajęć obowiązkowych z zakresu kierunku studiów Grupa zajęć fakultatywnych		
Forma studiów	stacjonarne	Sposób realizacji			na uczelni		
Rok studiów	3	Język wykładowy			polski		
Semestr studiów	6	Liczba punktów ECTS			1.0		
Profil kształcenia	ogólnoakademicki	Forma zaliczenia			zaliczenie		
Jednostka prowadząca	Rektor -> Wydział Biologii -> Katedra Genetyki Ewolucyjnej i Biosystematyki						
Imię i nazwisko wykładowcy (wykładowców)	Odpowiedzialny za przedmiot	prof. dr hab. Tadeusz Namiotko					
	Prowadzący zajęcia z przedmiotu						
Formy zajęć	Forma zajęć	Wykład	Ćwiczenia	Laboratorium	Projekt	Seminarium	RAZEM
	Liczba godzin zajęć	15.0	0.0	0.0	0.0	0.0	15
	W tym liczba godzin zajęć na odległość: 0.0						
Aktywność studenta i liczba godzin pracy	Aktywność studenta	Udział w zajęciach dydaktycznych, objętych planem studiów		Udział w konsultacjach		Praca własna studenta	RAZEM
	Liczba godzin pracy studenta	15		1.0		9.0	25
Cel przedmiotu	Zapoznanie studentów z problematyką współczesnych metod badawczych w taksonomii zwierząt. Poznanie podstawowych technik oraz etapów analizy fenetycznej i kladystycznej danych morfologicznych i molekularnych.						
Efekty uczenia się przedmiotu	Efekt kierunkowy		Efekt z przedmiotu			Sposób weryfikacji i oceny efektu	
	[BIOLL3_W07] zna rozwój biologii jako nauki, jej powiązania z innymi dyscyplinami oraz zasady wykorzystania wiedzy biologicznej w gospodarce i życiu społecznym, w tym w przedsiębiorczości						
	[BIOLL3_W05] zna w stopniu zaawansowanym metody doświadczalne, techniki laboratoryjne i terenowe oraz zasady planowania i prowadzenia badań biologicznych						
Treści przedmiotu	Taksonomiczna analiza fenetyczna danych morfologicznych. Podstawowe techniki molekularne stosowane w taksonomii zwierząt. Przedstawienie podstawowych metod statystycznych w analizie danych sekwencyjnych. Wnioskowanie filogenetyczne.						
Wymagania wstępne i dodatkowe							
Sposoby i kryteria oceniania osiągniętych efektów uczenia się	Sposób oceniania (składowe)		Próg zaliczeniowy			Składowa oceny końcowej	
	pisemny test zaliczeniowy		51.0%			100.0%	

Zalecana lista lektur	Podstawowa lista lektur	Avice J.C. 2008. Markery molekularne. Wyd. Uniw. Warszawskiego, Warszawa Brown T. A. 2001. Genomy. Wydawnictwo Naukowe PWN, Warszawa. Falniowski A. 2003. Metody numeryczne w taksonomii. Wydawnictwo UJ, Kraków. Hall B.G. 2008. Łatwe drzewa filogenetyczne. Poradnik użytkownika. Wyd. Uniw. Warszawskiego, Warszawa.
	Uzupełniająca lista lektur	Hills D. M. i in. (red.). 1996. Molecular systematic. Sinauer Associates, Sunderland, MA.
	Adresy eZasobów	
Przykładowe zagadnienia/ przykładowe pytania/ realizowane zadania		
Praktyki zawodowe w ramach przedmiotu	Nie dotyczy	

Dokument wygenerowany elektronicznie. Nie wymaga pieczęci ani podpisu.